# 人类遗传资源信息管理备份平台

# 操作手册 V2.2

更新时间: 2025年02月07日

概述	2
注册登录	3
账号功能	4
自然人	4
备份查看	4
备份创建	4
备份认领	13
法人/单位管理员	14
备份查看	14
备份管理	16
备份认领	16
联系我们	17

## 概述

为贯彻落实《中华人民共和国生物安全法》、《中华人民共和国人类遗传资源 管理条例》,为确保各项规定落地落实,进一步提高我国人类遗传资源管理效能。 人类遗传资源信息向境外组织、个人及其设立或者实际控制的机构提供或者开放 使用的,中方信息所有者应当先完成信息备份,然后通过国家卫生健康委员会政 务服务平台进行事先报告。

国家生物信息中心(简称"CNCB-NGDC"),依托单位中国科学院北京基因组研究所(国家生物信息中心),承担国家人类遗传资源信息管理备份平台(简称"备份平台")运行维护任务。为了配合实施细则的执行,备份平台进行了系统升级,已实现与人类遗传资源服务管理系统(简称"人遗系统", https://www.hgrg.net/login)的用户账号一体化管理。同时,备份平台进一步优化了备份流程并初步实现备份编号的实时同步,旨在提升数据备份的效率和可靠性,为广大科研人员提供便利的人类遗传资源数据备份、管理、共享和应用服务。

系统升级后的信息备份流程包括:用户账号登录、创建项目、备份信息、创 建文件信息与数据信息关联,完成以上所有步骤并提交即可获得备份编号。简要 流程可参考下图:



#### 数据备份流程图

**重要提示**:在进行数据信息关联之前,需先将数据文件提交到 CNCB-NGDC 的数据资源库中。数据类型与递交方式指南如下:

对应数据库	数据类型	格式类型		
GSA-Human	组学原始测序数据	邮箱: <u>gsa@big.ac.cn</u> QQ 群: <u>548170081</u>		
<u>GWH</u>	全基因组组装数据	邮箱: <u>gwh@big.ac.cn</u> QQ 群: <u>183915274</u>		
	基因组变异数据	HT 於		
<u>GVM</u>	变异芯片数据	● 附 箱: gvm(a)big.ac.cn		
	全基因组关联分析数据	QQ #1: <u>408038108</u>		
GenBase	核酸序列类生物标志物	邮箱: <u>genbase@big.ac.cn</u> QQ 群: <u>629388189</u>		
	基因组芯片原始数据			
OMIX	芯片统计与分析数据	邮箱: gsa@big.ac.cn		
UIVIIA	其它核酸类生物标志物	QQ 群: <u>516418530</u>		
	各类统计与分析数据			

## 注册登录

新备份平台与人遗系统(网址: <u>https://www.hgrg.net/login</u>)已实现了用户账号的一体化,用户可以使用同一个账号登录两个系统,方便快捷地管理备份信息和办理人类遗传资源服务相关业务。

如果您尚未在<u>人遗系统</u>注册,请先进行注册并获取法人(单位)授权后再登录本系统;如已注册,您可以直接登录。



# 账号功能

## 自然人

在备份平台中,自然人作为业务层,可以进行名下备份查看、新备份创建、 原备份认领等面向自然人的服务事项。用户账号一体化后,自然人仅能使用其个 人账号下的备份信息通过人遗系统进行"事先报告"业务办理。



#### 备份查看

自然人可查看本人账号所有备份信息。注意:自然人首次登录系统时,如注 册信息(包括**姓名、手机号和单位信息**)与<u>原备份平台</u>一致,系统会自动将<u>原备</u> 份平台中已获得备份号的备份信息归入该账号。

#### 备份创建

**自然人用户账号完成单位认证后即可开始进行信息备份**。数据备份流程主要 包括:①创建项目信息、②创建备份信息、③创建文件信息与数据信息关联,完 成以上所有步骤并提交即可④获得备份编号。具体操作步骤如下:

#### • 创建项目信息

开始备份前,首先需要创建项目,点击左侧导航栏的【新建项目】,根据要 求,依次填写项目名称、项目负责人、负责人邮箱(该信息在关联数据时起到关 键作用)、单位名称,确定无误后点击【立即创建】完成提交。 注意:一旦提交,自然人暂无权删除或修改已创建的信息。

- **项目名称:**您可以根据个人偏好自行填写项目名称,但请注意确保同一 账户下的项目名称不可重复。

- **项目负责人**: 请填写承担该项目研究的负责人的真实姓名。

- **负责人邮箱**: 建议使用单位邮箱,请务必仔细核对确保填写无误,并建议在后续数据提交过程中使用此邮箱。

- **单位名称**:如果您的账号已在"<u>人遗系统</u>"获得单位认证,本系统会自动 匹配单位名称,无需填写。如果您尚未获得认证,请前往"人遗系统"完成认证。

	新建项目			
操作指南	添加须知			$\checkmark$
	项目名称: 您可以根据	予个人偏好自行填写项目名称,但请注意确保同一账户下的项目名称不可重复。		
项目列表	项目负责人:请填写承	相该项目研究的负责人的真实姓名。		
新建项目	页责人邮箱: 建议使用 单位名称: 如果您的则 申请授权,并提醒法, 注意:请认真填写每3	理位即稱,時先必打如物約備原導与方法,升鐵以在后來数据提交过程中使用與影稱。 冬号在人类遗传激 <mark>器服务管理系统</mark> 获得法人的授权许可,系统会自动匹配单位名称,无需填 人单位审核通过。 条信息,一旦提交,自然人暂无权删除或修改已创建的信息。	写。如果您尚未获得授权许	可,请到人遗资源服务管理系统中
备份认领	* 项目名称			
	*项目负责人			
	*负责人邮箱		]	
	* 单位名称	国家基因组科学数据中心测试	* 单位名称	系统会自动获取单位名称,请请到备案系统中完成单位信息认证
		1. 执行此操作,将提交相关项目信息,请认真负责填写。	केन्द्र के सी आ	上担二 主明你必士妨得以
		2. 若蓄意录入虚假信息,需录入者自行承担相应后果。	如田兆以.	上旋小,衣竹恣间木状侍认
	* 同意协议	我已阅读并同意以上协议	业,項制	住" <u>入遗系统</u> "元成认证
		立即创建		

• 创建备份信息

在上一步创建项目后,会自动跳转到"**项目列表**",可在列表中查看项目具体 信息。**创建备份信息的具体操作流程如下:** 

添加备份项:点击新建项目操作列中的【查看】进入备份列表。点击【添加】填写基本信息;

	项目列表								
操作指南	序号	Į	页目名称			负责人姓名	创建的	时间	操作
页目列表	1	三例样本(父母子)	i â		刘晓寒	2023-0	06-28	查著	
<b>「」</b> 新建项目	< 1 >	前往 1 页			点	<del>5进</del> 入"	备份列	表"	共1条
备份认领									
			₽						
	项目名称	:三例样本(父母子)的	<b>沙</b> 河序数据开放	共享备案					
操作指南	项目描述								
	项目负责人:	刘晓寒, 邮箱: data-admin@big.ac	.cn			点	占创建新	f备份	
以日列表	提示: 同一	批次备份数据,取得备份号后,不用重	夏备份。如有接收方国	家变更或增加,请去	备案系统重新	倚案即可。			添加
新建项目	序号	备份名称	备份号	备案号	文件数	总数据量	创建时间	状态	操作
÷.				暂无数据					
备份认领	< 1	> 前往 1 页							共0条

2. 填写基本信息:确定备份信息填写无误后,点击【立即创建】提交。

选择"涉及内容"时请谨慎,因为"添加常规文件"中的下拉菜单会根据所
 选的"涉及内容"进行相应的调整;

一旦获得备份号,不支持对文件信息进行追加操作。如需追加,请新建
 备份。人遗系统支持一项事先报告关联多个备份号。

-	The second	人类遗传资源信息管理备份平台 🚽	4
dr.	1	添加备份 ×	
Ø	项目名称	* 备份名称	
	项目描述 项目负责人:	* 涉及内容	
项目列表	备份列表	<ul> <li>         基因组靶向测序相关数据         <ul> <li>             表双组测序相关数据             </li> <li> <b>按实际情况进行选择</b> </li> </ul> </li> </ul>	ज.
新建项目	序号	<ol> <li>1、请遵續选择相关内容,并根据实际情况进行操作。关联文件中的下拉菜单会根据内容变化做出相应调整;</li> <li>2、备份号获得后不可追加内容,如需追加请新建备份。人类遗传资源服务管理系统支持一个备案关联多个备份号。</li> </ol>	时间
备份认领	1 =	<b>提交</b> 重置	-06-28
	=	例样本(父母子)的测序数据对外提	07.40

- 3. 完成备份信息添加: 新添加的备份信息将显示在备份列表中。
- 可通过点击【修改】按键重新调整备份名称和涉及内容;
- 可通过点击【添加文件】按键,进入文件信息关联页面。

	项目名	项目名称: 三例样本 (父母子) 的测序数据开放共享备案											
操作指南	项目描述	项目描述											
	项目负责	项目负责人:刘晓寒,邮箱:data-admin@big.ac.cn											
项目列表	备份列表	备份列表											
	提示:	同一批次备份数据,取得备份号后,不用重	复备份。如有接收方国	家变更或增加, 请去人	遗资源服务	管理系统重新	备案即可.		添加				
新建项目	序号	备份名称	备份号	备案号	文件数	总数据量	创建时间	状态	操作				
<b>全</b> 新份认领	1	三例样本(父母子)的测序数据开放共 享备份	BF2023062816036		2	500 MB	2023-06-28	已完成	查看文件				
	2	三例样本(父母子)的测序数据对外提 供					2023-07-13	未完成	添加文件 修改				

## • 关联数据文件信息

在备份列表中,点击【添加文件】按钮进入提交文件信息页面。在进行数据 信息关联之前,需先将数据文件提交到 CNCB-NGDC 的数据资源库中。如果您 的数据还未提交,请先使用项目负责人邮箱(创建项目时填写的项目负责人邮箱) 注册账号并完成数据提交后,再进行信息关联。

## 数据库信息与联系方式如下:

对应数据库	数据类型	格式类型		
GSA-Human	组学原始测序数据	邮箱: <u>gsa@big.ac.cn</u> QQ 群: <u>548170081</u>		
<u>GWH</u>	全基因组组装数据	邮箱: <u>gwh@big.ac.cn</u> QQ 群: <u>183915274</u>		
	基因组变异数据			
<u>GVM</u>	变异芯片数据	邮箱: <u>gvm(a)big.ac.cn</u>		
	全基因组关联分析数据	QQ #f. <u>400030100</u>		
GenBase	核酸序列类生物标志物	邮箱: <u>genbase@big.ac.cn</u> QQ 群: <u>629388189</u>		
	基因组芯片原始数据			
OMIX	芯片统计与分析数据	邮箱: gsa@big.ac.cn		
	其它核酸类生物标志物	QQ群: <u>516418530</u>		
	各类统计与分析数据			

如果您的数据已提交至 CNCB-NGDC 的数据资源库中,请依照以下方式完成数据文件信息关联,具体操作流程如下:

1. 添加常规数据文件项:点击【添加常规文件】,填写详细信息

2018	且靶向测序相关数据。 修改	τ		
添加	常规数据须知			
• 如	果您的数据已提交至国家生物的	信息中心(China National Center fo	or Bioinformation, CNCB-NGDC) 的数据资源	库中,请点击相应按键完成添加;
• 如	果您的数据还未提交,请先使	用项目负责人邮箱: <u>data-admin@bi</u>	g <u>.ac.cn</u> ,按数据 <del>类</del> 型将数据提交至对应数据库后,	, 再进行添加。
	对应数据库		数据类型	
G	SA-Human	组学原始测序数据		
G	WH	基因组组装数据		
1		基因组变异数据		
	VIM	变异芯片数据		
		基因组芯片原始数据		
o	MIX	芯片统计与分析数据		
		核酸类生物标志物		
		谷类基因、基因组分析与统计数据		
X1 <del>1</del>	794K			液血室规文件
序号	详细类型	合计例数 单位规格	文件名称/数据编号	进度 操作
			暂无数据	
<	1 > 前往 1	σ	返回	共0条
	1 > 前往 1		) )	共0条
《	1 > 前往 1	¤ ✓	近回	共0条
常規数据	1     >     前往     1       1     >     前往     1	⊼ ×	<i>返</i> 回 所选数据类型会提示对应	<sub>共0条</sub> 亚提交数据库
常規数据	1         >         前往         1           组学原始测序数据         此类型数据库请提交至         1         1	页 人 X GSA-Human数强库	<i>返</i> 回 所选数据类型会提示对应	<sup>共0条</sup> 五提交数据库
常规数据 副类型	<ol> <li>前往 1</li> <li>前往 1</li> <li>组学原始测序数据</li> <li>此类型数据库请提交至</li> <li>3</li> </ol>	页 人 X GSA-Human数据库	<b>返回</b> 所选数据类型会提示对应	<sup>共0条</sup> 2.提交数据库
< 常规数据 日类型 一例数	1     >     前往     1       组学原始测序数据       此类型数据库请提交至       3	页 又 SSA-Human数据库	<b>返回</b> 所选数据类型会提示对应	<sup>共0衆</sup> 迈提交数据库
<	1       > 前往 1         组学原始测序数据         此类型数据库请提交至         3         5000	页 X GSA-Human数据库	) 所选数据类型会提示对应	<sub>共0衆</sub> 五提交数据库
< <b>常规数据</b> 一例数 音(MB/例) 音库提交账号	<ol> <li>前往 1</li> <li>前往 1</li> <li>(组学原始测序数据 此类型数据库请提交至 3</li> <li>5000</li> <li>data-admin@big.a</li> </ol>	页 又 SSA-Human数据库 c.cn	) 所选数据类型会提示对应 • "数据库提交账号" 墙	<sup>共0衆</sup> 2提交数据库 4写数据提交账号邮箱:
< 常規数据 副类型 一例数 る(MB/例) 弱库提交账号	1       > 前往 1         组学原始测序数据         此类型数据库请提交至         3         5000         data-admin@big.a	页 × CSA-Human数强库 C.Cn	) 所选数据类型会提示对应 • "数据库提交账号"填	<sup>共0案</sup> 2提交数据库 【写数据提交账号邮箱;
 常規数据 引送型 一例数 音(MB/例) 音に提交账号 音集序列号	1       > 前往 1         组学原始测序数据         此类型数据库请提交至         3         5000         data-admin@big.a         HRA000567	页 又 SSA-Human数据库 c.cn	) 所选数据类型会提示对应 • "数据库提交账号"填 • "数据集序列号"填写。	<sup>共0衆</sup> 亞提交数据库 [4]写数据提交账号邮箱; 在数据库中获得的数据归

2. 数据文件信息校验: 核查填写无误后点击【立即创建】。系统会对提交账

**号与数据集序列号**进行校验。如果提示"提交账号与数据集序列号不匹配",请检查确认"数据集序列号"或"数据库提交账号"是否填写有误。如需更多帮助,可致电 010-84097816 或者直接咨询对应数据库。

数据库	服务邮箱	QQ 交流群
GSA-Human	gsa@big.ac.cn	<u>548170081</u>
GWH	gwh@big.ac.cn_	<u>183915274</u>
GenBase	genbase@big.ac.cn	<u>629388189</u>
GVM	gvm@big.ac.cn_	<u>468638108</u>
OMIX	gsa@big.ac.cn	<u>516418530</u>

**3. 完成文件信息添加**:提交账号与数据集序列号通过校验后。通常会出现 以下两种情况:

如果"数据库提交账号"与"项目负责人邮箱"一致,数据文件信息添加完成。 新添加的文件信息将显示在文件列表中,"进度"状态为"完成"。您可点击【修 改】更新"合计例数"和"规格(MB/例)"信息修改

生	添加常规数据		×	C)	<b>组学原始测序数据</b> 基因组组装数据	添加;
洗		1		ēM	基因组变异数据	
	*详细类型	组学原始测序数据	$\sim$		基因组芯片原始数据	卜拉来早会根据所
		此类型数据库请提交至GSA-Human数据库			基因组变异芯片数据	选的"涉及内容"进
	* 合计例数	10			核酸类生物标志物	行相应的调整
					组学分析与统计数据	
	*规格(MB/例)	5			芯片相关分析与统计数据	
	* 数据库提交账号	data-admin@big.ac.cn		Γ	"数据库提交账号"与"项目	负责人邮
	* 数据集序列号	HRA000567			箱"一致,都是 data-admin(	@big.ac.cn
体		立即创建重置		与分	析数据,以及基因与表型关联信息等。	请务必提交数 添加常规文件

文件	利表					添加常规文件
序号	详细类型	合计例数	单位规格	文件名称/数据编号	进度	操作
1	组学原始测序数据	50	2000	HRA000567	完成	修改删除
<	1 > 前往 1 页			进展状态为"完成",表示数据(	言息关明	<b>联成功</b> #1条
				返回    提交		

如果"数据库提交账号"与"项目负责人邮箱"不一致,需获得数据提交者授权 后,方可完成信息关联。添加的文件信息同样会显示在文件列表中,但进度状态 为"待验证"。

国家生	添加常规数据			×	) 的数据资源库中,	请点击相应按键完	3成添加;	
,请先	*详细类型	组学分析与纲	社数据		对应数据库后,再进	行添加。		
	* 合计例数	突型数储库值1 10	走父王OMIX	(2)结/年				
	* 规格(MB/例)	5						
	* 数据库提交账号	zhangxx@big	j.ac.cn		"数据库提交!	账号"(zhang	gxx@big.ac.cn )	与
	* 数据集序列号	OMIX001226	i		"项目负责人	邮箱"(data-a	admin@big.ac.	cn)不一致
参与会		立即创建	重置	•			漆加常规文件	
文件	列表						添加常规文件	
序号	详细类型	合计例数	单位规格	文件名称	尔/数据编号	进度	操作	
1	组学原始测序数据	50	2000	HRA	.000567	完成	修改 删除	
2	组学分析与统计数据	10	5	OMIX001226	发送验证码	待验证	输入验证码 校验 修改 删除	
<	1 > 前往 1 引	Į					共2条	
				返回提交				

## 数据集授权流程如下:

• 发送邮箱验证码:点击【发送验证码】,数据集授权验证码以邮件形式发

送到"数据库提交账号"邮箱,请及时联系数据库提交者登录邮箱查收验证码,该 验证码有效期为48小时。

1	详细类型	合计例数	单位规格	文件名称/数据编号	进度	操作
	组学原始测序数据	50	2000	数据集提交账号不是 data-admin@big.ac.cn, 需通过邮箱验证码授权模式进行认证	完成	修改 删除
	组学分析与统计数据	10	5	OMIX001226 发送验证码	待验证	輸入验证码 校验 修改 删除
	1 > 前往 1 页					共2条
	序支件	类型	温馨提示		进度	操作
카	建项目 1 常规数: 目列表 < 1	屠文件 ÷	加害症小 数据集授权: 并正确填入: 注:发送验	編句量发 全证码已成功发送,请您及时联系提交者获取验证码 <sup>系统进行校验</sup> 。 正码有效期 48 小时,每 5 分钟可重发一次。 确定	待验证	線入設在65 線社 株社 株社 株社 株社 株社 株社
<b>[</b> hg	<b>人类遗传资源信息</b> rip@big.ac.cn 发送给 zhan	管理备份 gxx@big.ac	<b>}平台】</b> .cn	数据集验证码	₽~ (	9 양 년 发起会议 2023-06-28 18:03:5: 
【 hg ノ 」 だ じ し	( <b>人类遗传资源信息</b> ) rip@big.ac.cn 发送给 zhang xg遗传资源信息管理备付 hangxx@big.ac.cn 财,您的 <b>验证码</b> 为:32 %验证码由 <b>张晓寒</b> 通过人: )系统中提交的编号为( ( <b>父母子)的测序数据开</b> t验证码有效期48小时,请	管理备化 gxx@big.ac 分平台数据 00000 类遗传资》 0mIX0012 F放共享备 青勿外泄。	<b>分平台】</b> .cn 建集验证码 解信息管理 26的数据组 3案~。	₩ 数据集验证码 低码	▷ ~ ( :://ngdc. :关项目名	9 3 1 步起会 2023-06-28 18:03:5 

• 完成验证码校验: 正确输入邮箱验证码,点击【校验】。如校验成功后进 度状态显示为"完成",即数据信息关联成功。

文件	利表					添加常规文件	
序号	详细类型	合计例数	单位规格	文件名称/数据编号	进度	操作	
1	组学原始测序数据	50	2000	HRA000567	完成	修改 删除	
2	组学分析与统计数据	10	5	OMIX001226 发送验证码	待验证	320000 校验 修改 删除	输入验证码 并点击校验
<	1 > 前往 1 页					共2条	
文件	刘表			•		添加常规文件	
序号	详细类型	合计例数	单位规格	文件名称/数据编号	进度	操作	
1	组学原始测序数据	50	2000	HRA000567	完成	修改 删除	
2	组学分析与统计数据	10	5	OMIX001226	完成	修改 删除	
<	1 > 前往 1 页			完成数据信息关联		共2条	
				返回 提交			

## • 获得备份编号

当所有备份文件信息完成关联,则可点击文件列表下方的【提交】。完成提 交后,系统将为该备份分配唯一备份号,同时备份信息锁定。备份列表中此备份 状态显示为"已完成"。

文件	列表					添加常规文件
序号	详细类型	合计例数	单位规格	文件名称/数据编号	进度	操作
1	组学原始测序数据	50	2000	HRA000567	完成	修改删除
2	组学分析与统计数据	10	5	OMIX001226	完成	修改 删除
<	1 > 前往 1 页					共2条
				返回 提交		

据, ī 文件列 序号	高調论文、报告或参与会议 提示 提示 後 び び び び び び び の中道 び び の <	有备份文件都验证完毕, 加新的文件,是否继续排	并且提交后不能在此代 是交? 取消 調	× ¥		进度		添加常规文件
<u>项目名</u> 项目描述	ag white Shafiline white G称:三例样本(父母子))	2000	<b>人</b> (共享备案	MA567		수값	Advanta.	2052
项目负责 备份列录 提示:	長人:刘晓寒,邮箱:data-admin@big.a 复 同一批次备份数据,取得备份号后,不用	c.cn 重复备份。如有接收方面	国家变更或增加,请去行	备案系统重新	所备案即可。			添加
序号	备份名称	备份号	备案号	文件数	总数据量	创建时间	状态	操作
1	三例样本(父母子)的测序数据开放共 享备份	BF202306281603 6		2	500 MB	2023-06-28	已完成	查看文件
<	1 > 前往 1 页							共1条

**重要提示:** 备份信息锁定后,可点击【查看文件】查看已备份的文件信息和 修改"**合计例数**"和"单位规格",但无法再追加文件信息。

### 备份认领

如存在原备份平台的已获得备份号的备份信息未归入情况,可使用认领功能。 具体流程如下:

- 输入"原系统注册人姓名"、"原系统注册手机号"
- 通过"手机验证码"完成验证后,即可完成已获得备份号的信息认领

	旧系统备份信息认领
操作指南	→ 认領须知 ~
<b>一日</b> 项目列表	人类遗传资源信息管理备份平台(简称"备份平台")已实现与人类遗传资源服务管理系统的用户账号一体化管理。您可通过此功能认领原备份平台中已获得 备份号的备份信息,具体流程如下: •输入 <mark>"原系统注册人姓名</mark> "和 " <mark>原系统注册手机号</mark> ",以及 " <mark>手机给证码</mark> "进行账户信息验证; • 验证通过后,点击提交即可完成该用户在原备份平台中所有已获得备份号的信息认领。
<b>正</b> 新建项目	* 原系统注册人姓名 请填写旧系统注册人姓名
金份认领	* 原系统注册手机号 调填写旧系统注册手机号 0/11
	* 手机验证码 谢埃写手机验证码 获取验证码
	1. 新委托人必须与廣系統注册人属于同一家单位(公司),不支持跨单位(公司)认领: 2. 如果因单位(公司)名称中 <b>个别字词</b> 不一致造成无法认领,请及时联系线们: 3. 备份信息一旦认领成功,不可再次认领。请确保您为原平台账号所有者或已获得所有者的同意。 提交 重置

## 法人/单位管理员

**法人/单位管理员**作为管理层,可以进行备份信息查看、备份委托调整、原备 份认领等面向法人的服务事项。



#### 备份查看

法人(单位)可查看到名下查看已归入自然人账号下的所有备份。单位管理 员可查看到所在单位的备份信息,通过点击备份编号进入可查看备份详情。

已完成备	份列表 未完成备份列	し表			单位 请选		<u>~</u> ]
备份名称:		项目的	负责人姓名	委托人:		查询	重調
备份号:		1	<b>备案号:</b> 备案编号				
序号	备份号		备份名称		备案号 项目负责	责人 委托人	
1 B	F2023062816036	三例样本(父母子	子) 的测序数据开放共享备份		刘晓	寒 张晓寒	2
< 1	> 前往 1 页	点击进入	查看备份详细信	息			
备份详细 <sup>基本信息</sup>	信息						
备份详细的 基本信息 项目名称	<b>信息</b> 三例样本 (父母子) 的遗	则序数据开放共享	备案				
各份详细	<b>言息</b> 三例样本(父母子)的派 BF2023062816036	则序数据开放共享行 <b>备份名称</b>	备案 三例样本(父母子)的测序数	3开放共享备(	Ŕ		
<ul> <li></li></ul>	<b>信息</b> 三例样本(父母子)的別 BF2023062816036 2	则序数据开放共享行 备份名称 总大小	备案 三例样本(父母子)的则序数1 500 MB	居开放共享备份	Ŷ		
<ul> <li>              G分详细 i本信息 项目名称 奋份编号 文件数 完成情况</li></ul>	<b>信息</b> 三例样本(父母子)的が BF2023062816036 2 已完成	则序数据开放共享 备份名称 总大小 备案编号	备案 三例样本(父母子)的测序数 500 MB	3开放共享备份	9		
<ul> <li>合分详细</li> <li>体信息</li> <li>项目名称</li> <li>备份编号</li> <li>文件数</li> <li>完成情况</li> <li>项目负责人</li> </ul>	<ul> <li>         ・         ・         ・</li></ul>	<ul> <li>助序数据开放共享</li> <li>备份名称</li> <li>总大小</li> <li>备案编号</li> <li>联系方式</li> </ul>	备案 三例样本(父母子)的测序数 500 MB data-admin@big.ac.cn	<del>四开放共享备(</del>	Ŷ		
<ul> <li>各份详细:</li> <li>基本信息</li> <li>项目名称</li> <li>备份编号</li> <li>文件数</li> <li>完成情况</li> <li>项目负责人</li> <li>委托人</li> </ul>	<ul> <li>         ・         ・         ・</li></ul>	<ul> <li>则字数据开放共学</li> <li>备份名称</li> <li>总大小</li> <li>备案编号</li> <li>联系方式</li> <li>授权时间</li> </ul>	备案 三例样本(父母子)的测序数4 500 MB data-admin@big.ac.cn 2023-06-27 11:26:27	部分大学备行	9		
<ul> <li>         ・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・</li></ul>	<ul> <li>         ・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・</li></ul>	<ul> <li>则序数据开放共学</li> <li>备份名称</li> <li>总大小</li> <li>备案编号</li> <li>联系方式</li> <li>授权时间</li> <li>涉及内容</li> </ul>	备案 三例样本 (父母子) 的测序数4 500 MB data-admin@big.ac.cn 2023-06-27 11:26:27 全基因组测序相关数据,全基联 观组则序相关数据, 全基联	副开放共享备( 日本 現41芯片相关3 時相关数据	分 政据,全外显子组测序相关	<b>3</b> 24周,基因相称向测点	宇相关
6份详细 标信息 项目名称 备份编号 文件数 完成情况 项目负责人 委托人	<ul> <li>         ・         ・         ・</li></ul>	<ul> <li>喇字数据开放共学</li> <li>备份名称</li> <li>总大小</li> <li>备案编号</li> <li>联系方式</li> <li>授权时间</li> <li>涉及内容</li> </ul>	备案 三例样本(父母子)的测序数4 500 MB data-admin@big.ac.cn 2023-06-27 11:26:27 全基因组测序相关数据,转录组测f	3开放共享备( 9组芯片相关3 \$4相关数据	分 欧据,全外显子组测序相关	数据,基因组靶向测r	宇相关
6份详细 标信息 项目名称 备份编号 文件数 不成情况 项目负责人 委托人	<ul> <li>三例样本(父母子)的場</li> <li>BF2023062816036</li> <li>2</li> <li>ごうな、</li> <li></li></ul>	<ul> <li>制序数据开放共学</li> <li>备份名称</li> <li>总大小</li> <li>备案编号</li> <li>联系方式</li> <li>提权时间</li> <li>涉及内容</li> <li>详细类型</li> </ul>	备案 三例样本(父母子)的测序数4 500 MB data-admin@big.ac.cn 2023-06-27 11:26:27 全基因组测序相关数据,转录组则/ 规组测序相关数据,转录组则/	品开放共享备估 5月相关数据 合计例数	分 效据, 全外显子组则序相关 单位规格(MB/例)	数据,基因组靶向频用 文件名称/1	字相关 数据编
6份详细 体信息 の明目名称 の保備況 の明日公表人 の明日公表人 のの明白公表人 のの代码 のの代 のの代	E 急いていていていたいでは、「「「」」」、「「」」」、「」」、「」」、「」」、「」」、「」」、「」」、「	副字数调开放共学行       备份名称       总大小       各案编号       以取方式       授权时间       送及内容       详细类型       学////////////////////////////////////	备案 三例样本(父母子)的则序数 500 MB data-admin@blg.ac.cn 2023-06-27 11:26:27 全基因组则序相关数据,转录组则好	3月31次片相关5 5月31次片相关5 5月41分数据	分 效据,全外显子组则序相关 单位规格(MB/例) 2000	数据,基因组靶向测: 文件名称// HRA00	SPHE关 数据缘 10567

法人(单位)可查看名下所有单位的人员信息。单位管理员可查看到所在单 位的人员信息。

	人员信息	浏览		
操作指南				请输入查询内容 查询
成员列表	序号	姓名	角色	单位
	1	陈 6600	自然人	国家基因组科学数据中心测试
备份列表	2	张*****	自然人	国家基因组科学数据中心测试
	3	陈10000	自然人	国家基因组科学数据中心测试
委托调整	4	许30000	自然人	国家基因组科学数据中心测试
÷.	5	朱2003	法人	国家基因组科学数据中心测试
备份认领	6	张*****	自然人	国家基因组科学数据中心测试
	< 1	> 前往 1 页		共6条

#### 备份管理

法人/单位管理员可以使用"**委托调整**"功能来管理备份信息的委托权。委托 完成后,委托人(自然人)可使用关联后的备份信息完成"**事先报告"**业务。

## 具体操作如下:

- 请点击操作列的"委托调整", 输入"新委托人"姓名;
- 点击确定即可完成所有备份移交。

	备份委托权调	整					
操作指南	法人/单位管理员有	权限调整某个自然人的委托权。一旦授权完成,制	新委托人(自然	《人)便可	使用关联的备份信息前往人类遗传资源服务管制	里系统办理	"事先
成员列表	<ul> <li>报告"业务。具体排</li> <li>请点击操作列的</li> <li>点击确定即可完成</li> </ul>	最作如下: " <b>委托调整</b> " , 选择" <b>新委托人</b> " 姓名。 成所有备份移交。					
备份列表	委托人信息浏览						
<b>夜</b> 愛托调整	委托人: 张晓寒	✓ 単位: 请选择	~	状态:	清选择 ∨ <b>查询 重整</b>	<u>n</u>	
÷	序号 委托人	单位	角色	项目数	备份数	状态	操作
备份认领	1 张晓寒	国家基因组科学数据中心测试	自然人	1	已完成: 1; 未完成: 2;	在职	委托调整
	$\langle 1 \rangle$	前往 1 页					共1条

### 备份认领

与自然人相似,法人/单位管理员也可通过此功能认领原备份平台中已获得 备份号的备份信息。具体流程如下:

• 输入"原系统注册人姓名"和"原系统注册手机号"以及指定"新委托

人";

• 信息校验无误后,即可完成所有已获得备份号的信息认领。

关遗传资源信息管理备份平 份号的备份信息,具体流程 输入" <mark>原系统注册人姓名</mark> " 验证通过后,点击提交即T	台(简称"备份平台")已实现与人类遗传资源服务 如下: 和" <mark>原系统注册手机号</mark> ",选择" <mark>新委托人</mark> ",进行 [完成该用户在原备份平台中所有已获得备份号的信息	管理系统的用户账号—体化管理。您可通过此功能认领原备份平台中已新 于账户信息校验; 良认领。
* 旧系统注册人姓名		
* 旧系统注册手机号	请填写旧系统注册手机号 0/11	
	清清写上而两面信自ら再洗将新委托人	

# 联系我们

在数据备份过程中,有遇到任何问题,请随时联系我们。服务热线:010-84097816/010-84097340,服务邮箱: <u>hgrip@big.ac.cn</u>。